

## **ОТЗЫВ**

**на автореферат диссертационной работы Морозовой Ольги Владимировны на тему «Генотиповое разнообразие и филодинамика циркулирующих на территории России ротавирусов, сравнение с вакцинными штаммами», представленной на соискание ученой степени кандидата биологических наук по специальности 03.02.02 «Вирусология»**

В последние годы в мире в этиологической структуре острых кишечных инфекций преобладают вирусные патогены, среди которых одна из ведущих ролей принадлежит ротавирусам. В Российской Федерации ротавирусы являются причиной острого гастроэнтерита примерно в 40% случаев, при этом экономический ущерб от ротавирусной инфекции в 2019 году составил около 8 млрд. руб. Эпидемиологическое неблагополучие по ротавирусной инфекции на территории Российской Федерации, вызванное ежегодным ростом регистрируемых случаев ротавирусного гастроэнтерита, требует подробного изучения циркулирующих генотипов возбудителя и их филогенетических характеристик. В этой связи работа Морозовой О.В., посвященная изучению генетического разнообразия популяции ротавируса вида A в г. Нижнем Новгороде и расчету филодинамических параметров нижегородских изолятов ротавируса, несомненно, является актуальной. Важной научной составляющей работы является изучение аминокислотного состава в области антигенных детерминант у вакцинных штаммов и штаммов, изолированных на территории России.

Результаты, представленные в автореферате, имеют научное и практическое значение. Показано генетическое разнообразие ротавирусов, циркулировавших в г. Нижнем Новгороде в период с 2016 по 2020 гг., определена полная нуклеотидная последовательность генома ротавирусов G4P[8] и G2P[4]. На основе всех 11 сегментов генома ротавирусов G4P[8] и G2P[4] проведен филогеографический анализ штаммов и установлено их полифилетическое происхождение. В результате филодинамического анализа определена скорость мутаций для каждого сегмента генома ротавируса, позволяющая рассчитать время формирования эпидемически значимых вариантов, что может быть использовано в совершенствовании эпидемиологического надзора за ротавирусной инфекцией. Кроме того, были выявлены межгеногрупповые реассортанты G1P[8]-I2-E2, филогенетический анализ которых позволил установить родство штаммов, изолированных в Нижнем Новгороде с

зарубежными изолятами (Япония, Таиланд, Австралия), ассоциированными с тяжелым течением и вспышками ротавирусной инфекции.

Автореферат написан в соответствии с требованиями, хорошо иллюстрирован. Материалы исследования доложены на научно-практических конференциях различного уровня, отражены в 15 публикациях, включая 7 статей в журналах перечня ВАК, а также индексированных в Scopus и Web of Science.

По актуальности, поставленным задачам, объему исследования и новизне полученных результатов диссертационная работа Морозовой О.В. «Генотиповое разнообразие и филодинамика циркулирующих на территории России ротавирусов, сравнение с вакцинными штаммами» соответствует требованиям п.9 «Положения о порядке присуждения ученых степеней», утвержденного Постановлением Правительства РФ №842 от 24 сентября 2013 г. (с изменениями Постановления Правительства РФ №335 от 21.04.2016 г.; № 748 от 02.08.2016; №650 от 29.05.2017; №1168 от 01.10.2018), предъявляемым к кандидатским диссертациям, а её автор Морозова Ольга Владимировна заслуживает присуждения искомой степени кандидата биологических наук по специальности 03.02.02 «Вирусология».

Вед. науч. сотр., рук. Дальневосточного  
регионального научно-методического центра  
по изучению энтеровирусных инфекций  
ФБУН Хабаровский НИИ эпидемиологии  
и микробиологии Роспотребнадзора, к.м.н.

10.06.2021

Подпись вед. науч. сотр. Е.Ю. Сапега заверяю

Ученый секретарь ФБУН Хабаровский НИИ  
эпидемиологии и микробиологии Роспотребнадзора,  
к.м.н., ст.н.с.

Е.Ю. Сапега



A handwritten signature in blue ink, appearing to read "T.B. Korita".

Т.В. Корита